



flash
eNews

European Federation of Animal Science



N° 249 – Januar 2024

www.eaap.org

Slovenska Izdaja
Glasilo - številka 249
Januar 2024



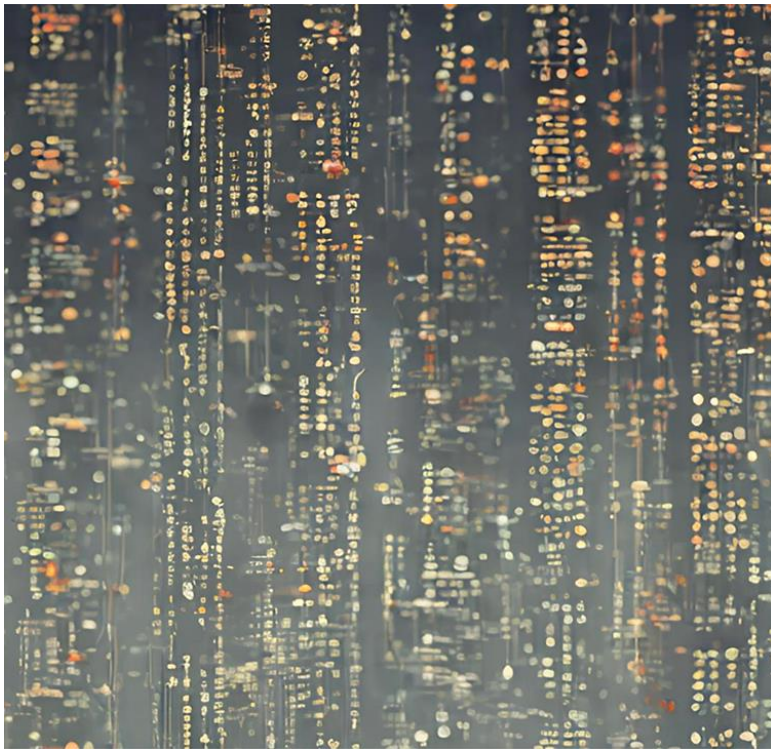
GLAVNE TEME

Novice iz EAAP	4
Osebe v EAAP	5
Znanost in inovacije	6
Novice iz EU (politike in projekti)	8
Ponudbe za delo	8
Industrija	9
Publikacije	10
Podcasti o znanosti o živalih	11
Ostale novice.....	11
Konference in delavnice.....	12

UVODNIK

UVODNIK GENERALNEGA SEKRETARJA

Odkrivanje antibiotikov s pomočjo umetne inteligence in potencial v genomskih študijah



Raziskovalci Massachusetts Institute of Technology (MIT) so s pomočjo umetne inteligence odkrili razred antibiotikov, ki lahko izkoreninijo proti meticilinu odporni *Staphylococcus aureus* (MRSA), zelo nevarno superbakterijo, zaradi katere po svetu letno umre več kot 100.000 ljudi. Študija, objavljena v reviji *Nature*, prikazuje, kako pomembno vlogo pri odkritju je imelo globoko učenje (ang. *deep learning*), metoda umetne inteligence, ki posnema nevronske mreže človeških možganov. Znanstveniki so informacije, ki jih je zbral model globokega učenja, uporabili za napovedovanje učinkovitosti antibiotikov, kar je olajšalo oblikovanje potencialno močnejših zdravil. S pomočjo različnih modelov globokega učenja je bilo pregledanih približno

12 milijonov spojin, pri čemer je bilo opredeljenih pet potencialnih razredov molekul, učinkovitih proti MRSA. Izmed 280 zoženih spojin sta se dve iz istega razreda izkazali kot obetavni kandidati za antibiotik.

Ta pomemben rezultat izhaja iz tehnik strojnega učenja in globokega učenja, pri čemer lahko prva pridobi različne podatke za usposabljanje stroja, ki postopoma postaja vse bolj spreten pri samostojnem izvajanju naloge. Slednje se zanaša na globoke nevronske mreže, ki so značilne po številnih plasteh računanja, ki temeljijo na zelo visokem številu ravni. V zvezi s tem je eksplozija količine genomskih podatkov, ki naj bi v prihodnjih letih preseгла druge pomembne vire velikih podatkov, še posebej primerna za usposabljanje algoritmov strojnega učenja. Zaradi sposobnosti tehnik globokega učenja, da obdelajo zelo velike in raznolike nabore podatkov, so te zelo primerne za genomske študije.

Cilj genomskega sekvenciranja je pospešiti ugotavljanje povezave med genetskimi različicami in določenimi fenotipi. Tehnike strojnega in globokega učenja, ki so sposobne obvladovati obsežne in raznolike podatkovne nize, so odgovor na to potrebo. Vendar je treba zaradi pogosto nestrukturirane narave genomskih podatkovnih nizov obravnavati izzive pri urejanju, izbiri in organizaciji podatkov za sisteme umetne inteligence.

Poleg znanih težav obstaja tudi nevarnost "pedsodkov" v modelih umetne inteligence, ki lahko povečajo nenatančnost pri preučevanju nekaterih genetskih dejavnikov. Na primer, algoritmi strojnega učenja, usposobljeni na naborih genomskih podatkov, ki večinoma izhajajo iz vnaprej izbranih posameznikov, so lahko manj učinkoviti kot algoritmi, usposobljeni na popolnoma reprezentativnih populacijskih podatkih. Za odpravo pristranskosti in povečanje natančnosti pri genomskih študijah je potreben skrben premislek.

Andrea Rosati

Novice iz EAAP

Glasilo ERFP ter skupne pobude EAAP in ERFP za leto 2024

Na voljo je nedavno izdano [glasilo Evropske regionalne kontaktne točke za živalske genske vire \(ang. European Regional Focal Point for Animal Genetic Resources; ERFP\)](#). EAAP z veseljem podpira to pomembno skupino in zagotavlja potrebno prepoznavnost glasila.

Poleg tega agencija EAAP z ERFP sodeluje po različnih kanalih, za leto 2024 pa sta v pripravi že dve skupni pobudi. Prva je načrtovana za april 2024, ko bo ERFP sklical svoje delovne skupine v Nikoziji na Cipru v povezavi z [regionalnim srečanjem EAAP](#), ki bo potekalo od 24. do 26. aprila 2024. Pred regionalnim srečanjem EAAP bo potekalo posebno srečanje ERFP, ki bo odlična priložnost za sodelovanje teh skupin, razpravo o tekočih projektih in oblikovanje strategij za prihodnje pobude.

Generalna skupščina ERFP pa bo, kot je običajno, sovpadala z letnim srečanjem EAAP. Generalna skupščina ERFP leta 2024 bo septembra v kulturno bogatem mestu Firenze v Italiji. Ta letna skupščina je pomemben dogodek za ERFP, saj ponuja platformo za pregled letnega napredka, razpravo o novih izzivih in priložnostih ter sprejemanje ustreznih odločitev za prihodnost. Članom zagotavlja tudi forum za mreženje, izmenjavo spoznanj in krepitev naših skupnih prizadevanj pri ohranjanju in trajnostni uporabi živalskih genskih virov.

3. srečanje o gorskih živinorejskih sistemih v Clermont-Ferrandu (Francija)

EAAP bo v sodelovanju z VetAgro Sup in INRAE organizirala delavnico **3. srečanje o gorskih živinorejskih sistemih**. Konferenca bo potekala v Clermont Ferrandu (Francija), glavnem mestu Auvergne, od 5. do 7. junija 2024. Splošna tema tega kongresa bo prilagajanje gorske živinoreje podnebnim spremembam. Skupaj bodo organizirana različna zasedanja, ki bodo zajemala različna področja, povezana z interakcijo med sistemi kmetovanja in prostoživečimi živalmi, kakovostjo proizvodov in gorskim kmetovanjem ter številnimi drugimi temami. Oddaja povzetkov je že odprta! **Rok za oddajo povzetkov je 15. februar**



2024. Prijave bodo odprte kmalu, v naslednjih dneh! Konferenca je "obvezna" za vse znanstvenike s področja živinoreje, ki jih zanima obravnava večplastnih vidikov gorske živinoreje, ki zajemajo prilagajanje podnebnim spremembam, interakcijo z divjadjo, kakovost proizvodov, ekološke koristi, ohranjanje lokalnih pasem, socialne in kulturne razsežnosti, krmne sisteme, ekonomsko uspešnost, tehnološke inovacije, izzive sezonske paše ter zdravje in dobrobit živali v gorskih sistemih kmetovanja. Za več informacij [obiščite spletno stran konference](#).

C-Lock Inc.TM in Labogena sta nova člana industrijskega kluba EAAP

Z veseljem vam sporočamo, da Industrijski klub EAAP pozdravlja dva nova člana: C-Lock Inc.TM in Labogena!

C-Lock Inc.TM je podjetje s sedežem v ZDA, ki za spremljanje, analizo in nadzor bioloških parametrov govedu uporablja najsodobnejša znanstvena dognanja in tehnologijo. S sistematičnim pristopom, ki vključuje inteligentne tehnike pridobivanja podatkov, meritve in numerično modeliranje, lahko izdelki podjetja C-lock odkrivajo težave, ki zmanjšujejo učinkovitost in produktivnost. Podjetje se osredotoča na kmetijske prakse, ima pa tudi izkušnje z merjenjem emisij, povezanih s proizvodnjo energije. Sistem GreenFeed meri emisije metana in presnovnega ogljikovega dioksida prežvekovalcev, kot je govedo, in tako kmetom in rejcem zagotavlja podatke v realnem času za dokumentiranje izboljšanja učinkovitosti krme in zmanjšanja izgub emisij metana. Osebe družbe C-Lock Inc., ki ga sestavljajo nadarjeni znanstveniki, inženirji in tehnično osebje, je pripravljeno zagotoviti svoje strokovno znanje in izkušnje za podporo živinorejski industriji.

Labogena je francosko podjetje, ki se ukvarja z določanjem genotipov in sekvenciranjem živalskih in rastlinskih vrst. Podjetje LABOGENA je bilo ustanovljeno leta 1994 kot nadgradnja genetskih analiz, ki jih na živalih izvaja inštitut INRAE. Zaradi visokotehnoloških virov, kot je visoko zmogljiva platforma za genotipizacijo, in strokovnih delavcev je laboratorij postal merilo v svetu biotehnologije. Laboratorij je opravil več kot 300.000 analiz na leto, od tega 54 % na področju govedoreje. Njena področja analize so rodoslovje, določanje interesnih genov, genetske anomalije in bolezni, genotipizacija, LABOGENA pa je tudi pomemben vir pri pripravi na prihodnost: laboratorij že dela na prihodnjih rešitvah, kot so tehnike sekvenciranja DNK nove generacije.



Osebe v EAAP

Soumya Kanti Kar



Soumya Kanti Kar je odrasčal v mestu Guwahati v Indiji, regiji, ki je znana po čaju - čaju Assam in Darjeeling. Poleg tega je regija blizu ene od vročih točk svetovne biotske raznovrstnosti, kjer živijo sloni, tigri, primati, ogroženi enorogi nosorog in številne druge zanimive vrste. Vedno se je zanimal za živali in študiral veterino. Pred skoraj enajstimi leti se je Soumya preselil na Nizozemsko, kjer je opravljal doktorat. Razvil je raziskovalno orodje za ocenjevanje alternativnih beljakovin za živalsko krmo z uporabo tehnik multiomike. Ustvaril je besedo FeedOmics in jo uporabil kot naslov svoje disertacije. Soumya skupaj s partnerico Cindy Klootwijk

(znanstvenica - travinje in paša, WUR) in tremi kosmatinci (Iroh (3-letna mačka), Flow (3-letni pes) in Sjöund (11-letni islandski konj)) živi v Wageningenu, znanem kot mesto znanosti o življenju na Nizozemskem. Njegova mati še vedno živi v Guwahatiju, starejši brat pa z družino v Bangaluru v Indiji. Soumya uživa v potovanjih, spoznavanju

ljudi, raziskovanju kulture in hrane. Soumya prihaja iz kriketne države in nadaljuje z igranjem kriketa na Nizozemskem, uživa pa tudi v "nizozemski" kulturi, (evropski) pokrajini in naravi. [Celoten profil si preberite tukaj.](#)

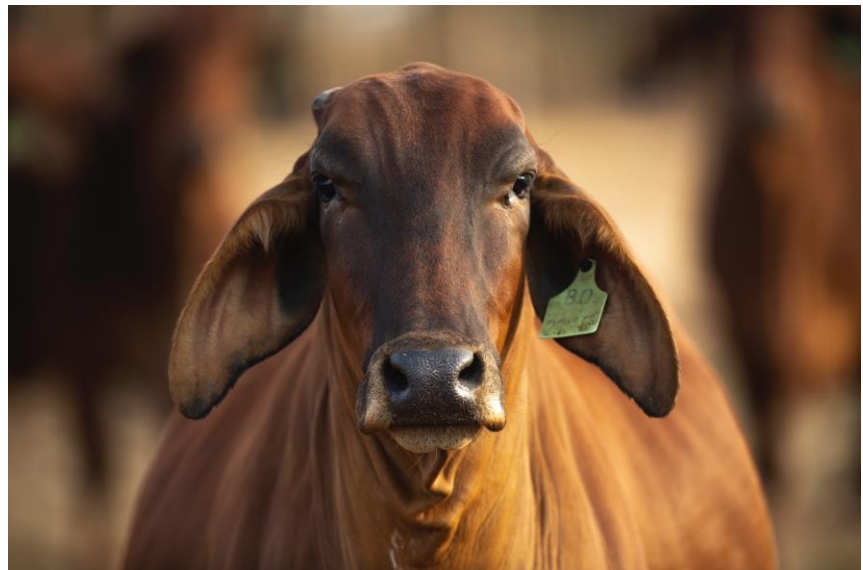
Znanost in inovacije

Opredelitev rejskih ciljev za živalske pasme

Glavni cilj rejskega programa je izboljšati primernost pasme za njene prihodnje vloge. Tradicionalna vzreja živali pogosto predpostavlja, da je maksimiranje dobička edini motiv lastnikov, vendar je to lahko napačna predpostavka. Predlagan je bolj vključujoč pristop, ki temelji na konceptu niše. Niša pasme je opredeljena kot okolje, v katerem lahko majhna populacija pasme uspeva pod vplivom povpraševanja potrošnikov in ponudbe proizvajalcev. Ta pristop vključuje opredelitev predvidene niše za pasmo, opredelitev optimalnih lastnosti, ki povečujejo prilagodljivost pasme tej niši, in določitev dovoljenih rejskih ciljev, ki so v skladu z dobrobitjo živali. Prilagoditev pasme je povezana z zadovoljstvom proizvajalcev in potrošnikov. Predlagani pristop nadomešča model, osredotočen na dobiček, s funkcijo prilagojenosti, ki ocenjuje usklajenost pasme z njeno predvideno nišo. Ta metoda je skladna s tradicionalnim pristopom, ko je maksimiranje dobička edini motiv proizvajalca in se želje potrošnikov natančno odražajo v cenah proizvodov. Vendar pa lahko v primerih, ko te predpostavke niso izpolnjene, tradicionalni pristop prinese napačne rejske cilje. V prispevku je na primeru družabnih pasem prikazan potencial predlaganega pristopa za odpravo takšnih pomanjkljivosti. [Celoten članek preberite na spletnem mestu *Genetics Selection Evolution*.](#)

Zagotavljanje prihodnosti ekstenzivne živinoreje na subtropskih traviščih in savanah

Travišča in savane, ki pokrivajo velik del Zemlje, so se soočila s precejšnjim antropogenim vplivom in preoblikovanjem. Ekstenzivna živinoreja, ki je v različnih regijah zaradi omejitev pridelave pogosto najbolj trajnostna kmetijska izbira, ima ključno vlogo pri zagotavljanju živalskih beljakovin in podpiranju različnih ekosistemskih storitev travišč. Trajnostno upravljanje vključuje ohranjanje stalne ponudbe krme, ki zadovoljuje prehranske potrebe živali, zlasti ob prihodnjih izzivih, kot so spremenjeni vzorci



padavin in naraščajoče temperature. Ker podnebne spremembe ogrožajo ekstenzivno živinorejo na subtropskih travnikih in savanah, so potrebne proaktivne strategije. Prilagajanje živine z vzrejo za prihodnja okolja je bistvenega pomena za zagotavljanje zdravja in zmogljivosti v vročih in nepredvidljivih razmerah. Ključnega pomena je učinkovito upravljanje paše, ki zagotavlja kakovostno krmo v mokrem obdobju in zadostne količine krme v suhem obdobju. Načela upravljanja paše odražajo naravne sisteme divjih živali in se lahko uporabljajo v različnih scenarijih živinoreje, tako komercialnih kot skupnostnih. Kombinacija prilagojenih živali z vzrejo in dobrim upravljanjem paše se kaže kot glavna strategija za zaščito živinoreje pred podnebnimi spremembami. Sekundarne strategije, kot so programi za zdravje živali in ciljno usmerjeno dodatno krmljenje, pridobijo na pomenu, ko je vzpostavljena primarna strategija. [Celoten članek preberite na spletni strani *AnimalFrontiers*.](#)

Vzdrževanje celoletne spolne aktivnosti pri sezonskih kozlih v odprtih hlevih z uporabo kratkih fotoperiodičnih ciklov

Študija obravnava izziv sezonskosti v reproduktivni aktivnosti pri ovnih in kozlih v zmernih in subtropskih conah. Raziskovalci so preizkusili učinkovitost odprave te sezonskosti s tem, da so dve skupini kozlov izpostavili izmenjujočim se obdobjem enega meseca dolgih dni (LD) in enega meseca bodisi stalne svetlobe (LD–LL) ali naravne svetlobe (LD–NL) v odprtih hlevih z dodatno svetlobo. Kontrolna skupina je ostala pod naravno fotoperiodo. Kontrolna skupina je pokazala pomembne sezonske spremembe v telesni teži (BW), teži testisov (TW) in plazemskem testosteronu (T), s stabilnimi ali padajočimi vrednostmi poleti in dramatičnimi nihanji čez letne čase. Nasprotno pa so kozli LD–LL in LD–NL pokazali stalno povečevanje BW in ohranjali stabilno TW skozi ves čas eksperimenta. Kozli LD–LL so pokazali konstantne ravni T, medtem ko so kozli LD–NL doživljali periodična nihanja. Plazemski kortizol (C) je ostal nizek in ni bil prizadet zaradi svetlobnega tretmaja. To je prva študija, ki kaže, da je pri »sezonskih vrstah« možnost vzdrževanja celoletne spolne dejavnosti pri samcih, nameščenih v odprtih hlevih, z izmeničnimi obdobji LD in LL. Tretma LD–LL, stroškovno učinkovit in enostaven, ima potencial odpraviti sezonska nihanja v spolni aktivnosti, kar ponuja praktično rešitev za upravljanje samcev malih prežvekovalcev, še posebej v centrih za umetno osemenjevanje, ki si prizadevajo za celoletno proizvodnjo visokokakovostnega semena. [Celoten članek preberite v reviji Animal.](#)

Sekvenciranje celotnega genoma omogoča nov vpogled v evolucijsko zgodovino in genetsko prilagoditev populacij severnih jelenov v severni Evraziji



Študija se osredotoča na genomsko analizo domačih severnih jelenov (*Rangifer tarandus*) v Fenoskandiji, vrste, ki je ključna za kulturo in preživetje avtohtonih prebivalcev v severni Evraziji. Raziskovalci so predstavili nov, zelo povezan genomski sklop fennoskandijskega domačega severnega jelena, ki je doslej najboljše referenčni genom za severne jelene. Genom je bil uporabljen za raziskovanje genetske raznolikosti, populacijske strukture in selekcijskih posegov v evrazijskih populacijah severnih jelenov na podlagi velikega

nabora podatkov, ki zajema 58 osebkov iz različnih populacij. Filogenetske analize razkrivajo ločene genetske skupine, pri čemer je finski divji gozdni severni jelen opredeljen kot edinstvena podvrsta, kar kaže na taksonomsko prerazvrstitev. Študija kaže na genetsko ločitev med severnoevropskim *Rangifer tarandus fennicus* in *Rangifer tarandus tarandus* pred približno 52 tisoč leti. Ugotovljene so bile štiri glavne genetske skupine: Fenoskandijski, vzhodni/severni ruski in aljaški severni jeleni, finski gozdni severni jeleni in severni jeleni s Svalbarda. Študija kaže na dva neodvisna procesa udomačevanja severnih jelenov v Fenoskandiji in vzhodni/severni Rusiji s skupnimi geni pod selekcijo, vključno z retrovirusnimi geni, kar kaže na molekularno udomačevanje, ki pomaga pri prilagajanju različnim okoljem. Raziskava omogoča celovito razumevanje evolucijske zgodovine, udomačitve in genetske prilagoditve populacij severnih jelenov v različnih regijah. Raziskava osvetljuje genetsko podlago prilagoditev, povezanih s podnebjem, okoljem in interakcijami z ljudmi, ter ponuja dragocen vpogled v edinstvene značilnosti severnih jelenov v severni Evraziji. [Celoten članek preberite v reviji Nature.](#)

Novice iz EU (politike in projekti)

Zaključna konferenca projekta BovReg!

Konzorcij projekta BovReg vas vabi na zaključno konferenco projekta BovReg, ki bo potekala 14. in 15. februarja 2024 v Bruslju (in preko spleta). Pridružite se partnerjem in proslavite dosežke projekta pri napredku govedoreje z genskimi raziskavami. Seznanite se z rezultati od leta 2019 in obeležite desetletni mejnik pobude FAANG. Vabljeni so deležniki iz raziskovalne skupnosti, kmetje in nosilci odločanja. Ne zamudite priložnosti, da postanete del tega pomembnega dogodka. Rok za prijavo na dogodek 31. januarja 2024; za spletno udeležbo 12. februarja 2024. **Prijavite se zdaj!** Dodatne informacije so na voljo [tukaj](#).



BovReg
Understanding cattle genomes

BovReg Final Conference

University Foundation
Room "Felicien Cattier"
Brussels
(virtual participation available)
Registrations are available here!

 **14th - 15th**
February 2024


This project has received funding from the European Union's Horizon 2020 research and innovation programme under grant agreement No 815668.

Ponudbe za delo

Priložnosti za doktorski študij, Združeno kraljestvo

Program FoodBiosystems DTP je pred kratkim razpisal 56 doktorskih študijskih mest na univerzah v Združenem kraljestvu na področju "zdravja živali in živinorejskih kmetijskih sistemov". Podiplomski študenti raziskovalci FoodBioSystems bodo opravljali usposabljanje, ki vodi k doktoratu, ter se opremili z dodatnimi spretnostmi in znanjem, ki jim bodo pomagali pri njihovi prihodnji poklicni poti. Vsak raziskovalni projekt poteka pod skupnim nadzorom dveh univerz v Združenem kraljestvu. Doktorski študenti bodo pridobili temeljno znanje o živilskih sistemih, analizi podatkov in modeliranju, pa tudi znanja, specifična za posamezno temo, odvisno od potreb. **Rok: 22. januar 2024.** Če želite izvedeti več in raziskati teme, [obiščite spletno stran](#).

Podoktorski štipendist na Univerzi v Kaliforniji, ZDA

Na [univerzi UC Davis](#) je na voljo podoktorsko mesto na temo Razvoj modela potreb po hranilih za tropsko mlečno govedo (ang. Developing Nutrient Requirements Model for Tropical Dairy Cattle). Znanje o prehrani prežvekovalcev ter izkušnje z razvojem matematičnih modelov so zelo zaželeni. Delovno mesto traja 3 leta s polnim delovnim časom. Za več informacij in prijavo preberite [razpis za delovno mesto](#).

Raziskovalni sodelavec na Univerzi Cornell, New York, ZDA

Laboratorij doktorja Alexa Travisa v okviru [Bakerjevega inštituta za zdravje živali na Veterinarski fakulteti Univerze Cornell](#) išče kandidata za raziskovalnega sodelavca z izkušnjami na področju biokemije in celične biologije. Izbrani kandidat bo sodeloval pri raziskavah, ki jih financira NIH in katerih cilj je preučiti lipidno regulacijo ionskih kanalov v človeškem in mišjem semenu, ter pri projektu, ki ga financira zunanji izvajalec, o diagnostiki virusnih bolezni. Zahteva se doktorat iz sorodnih področij. Za več [informacij preberite opis delovnega mesta](#).

Štiri delovna mesta na Univerzi Guelph, Kanada

Univerza v Guelphu trenutno išče ambiciozne in motivirane kandidate (1 podoktorski, 1 doktorski študent, 2 magistra z diplomsko nalogo) za nov raziskovalni projekt, v katerem se preizkušajo vplivi zgodnje ontogeneze pri piščancih na njihov poznejši fenotip in lokomotorno sposobnost. Gre za raziskovalno sodelovanje med več univerzami, vendar bodo uspešni kandidati v času svojega imenovanja delali s polnim delovnim časom na Univerzi v Guelphu. Za več informacij in prijavo [preberite opis delovnega mesta](#).

Industrija

Neogenove matrice za genotipizacijo v akvakulturi

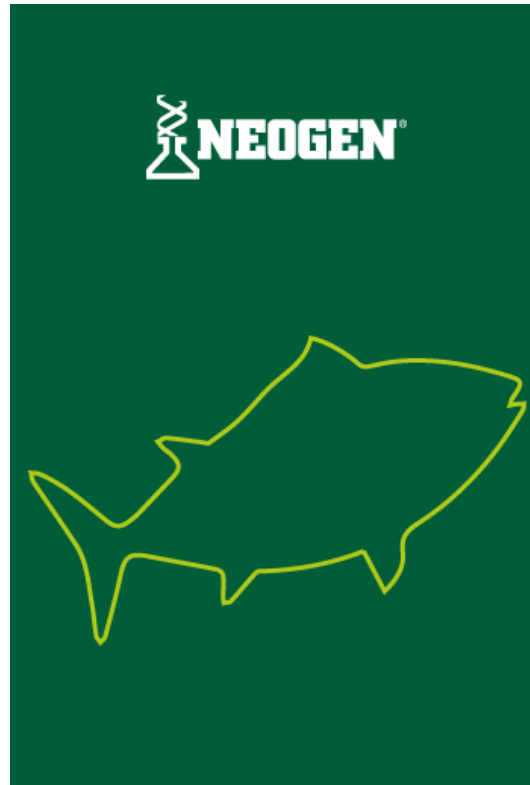
Podjetje Neogen s ponosom objavlja nedavno dodan izbor matrik Aquaculture GeneSeek® Genomic Profiler™ (GGP), ki raziskovalcem in vsem, ki sodelujejo pri preučevanju in ohranjanju vodnih vrst, omogočajo dostop do najsodobnejših genomskih orodij, prilagojenih njihovim zahtevam. Ponudba obsega:

- GGP Atlantic Salmon 20K
- GGP atlantska trska 20K
- GGP Mavrična postrv 20K
- GGP kozice z belo nogo 50K.

Neogen lahko izvaja tudi širok nabor kataloških in konzorcijskih matrik za akvakulturo podjetij Illumina in Thermo Fisher.

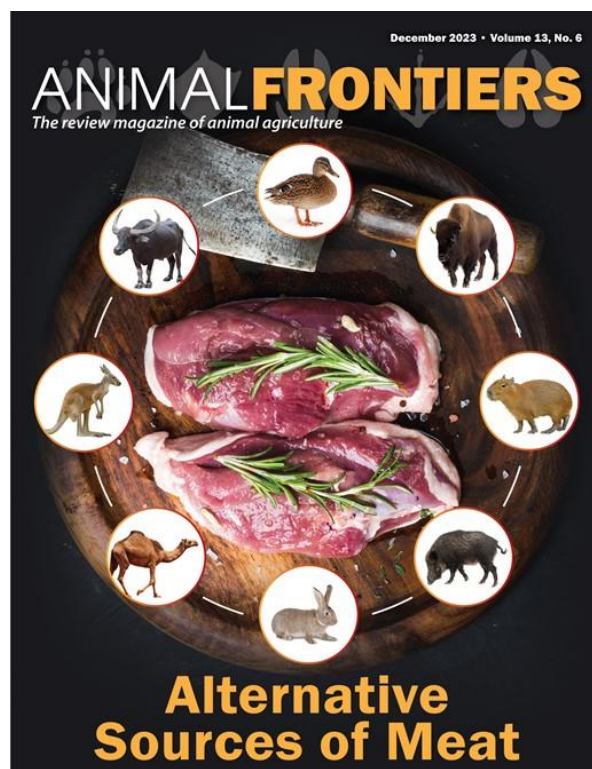
Za dodatne informacije se obrnite na: hhofenederbarclay@neogen.com

Odkrijte nove možnosti z Neogen Genomics. Ne pozabite se naročiti na [njihov e-poštni seznam](#), da boste vedno obveščeni o najnovejših novicah.



Publikacije

- **Oxford Academic**
[Animal Frontiers, volumen 13, številka 6 - december 2023](#)



Podcasti o znanosti o živalih

- CIEL Insights Podcast: Accelerating Innovation in Aquaculture, govorci Dr. Annie Williams, Martin Sutcliffe, Dr. Robin Shields in Dr. Grace O’Gorman



Ostale novice

São Paulo School of Advanced Science (SPSAS) o precizni živinoreji

S Šolo za napredne znanosti v São Paulu (SPSAS) o precizni živinoreji (SPSAS-PLF) nameravamo narediti kakovostni preskok v raziskavah na področju precizne živinoreje. Z združevanjem svetovno znanih znanstvenikov želimo spodbuditi podiplomske študente in mlade znanstvenike k poglobljenemu raziskovanju različnih vidikov raziskav PLF. Šola bo potekala od 15. do 24. oktobra 2024 v mestu Jaboticabal v Braziliji. Izbranih bo približno 100 kandidatov: 50 prebivalcev Brazilije in 50 iz tujine. **Rok za prijavo: 20. januar 2024.** Za več podrobnosti in prijavo [obiščite spletno mesto](#).

Povečanje reproduktivne zmogljivosti jezerske zlatovčice z uporabo visoko zmogljivih tehnologij sekvenciranja

Projekt bo opredelil glavne vzroke, ki vplivajo na plodnost samcev, in ocenil, v kolikšni meri pojasnjujejo nizko reproduktivno zmogljivost jezerske zlatovčice (*Salvelinus alpinus*), ki jo gojijo na Švedskem. Raziskanih bo več parametrov, kot so starost, čas vzorčenja med sezono drstenja in genetika. Nazadnje bomo analizirali možen učinek motenj v razmnoževanju samcev na potomstvo z uporabo sekvenciranja RNA. Ribogojna industrija na Švedskem je trenutno priča velikim prizadevanjem za povečanje ponudbe ribjih proizvodov na trgu. Jezerska zlatovčica je ključna vrsta v tem kontekstu: je druga najpogosteje gojena riba na Švedskem in je od leta 1980 cilj nacionalnega rejskega programa. Rodovitnost je ključ do uspeha za trajnost in ekonomičnost ribogojne industrije. [Celoten članek si lahko preberete na spletni strani univerze SLU](#).

Socializacija za uspeh: dve nedavni študiji razširjata naše razumevanje o tem, kako zgodnja socialna nastanitev pomaga mlečnim teletom pri uspehu

Dve novi študiji v publikaciji *JDS Communications* osvetljujejo naše razumevanje parne namestitve v kritičnih fazah življenja novorojenčkov in pred odstavitvijo mlečnih telet, saj kažeta, da lahko namestitev, namenjena zgodnji socializaciji, razvije vedenjske spretnosti, oblikuje osebnost telet in na koncu pripravi živali za uspeh v čredi. Krave molznice so družabna bitja - po rojstvu iščejo stike z drugimi teleti, njihov morebitni družbeni status v čredi pa je lahko pomemben za njihov dostop do vode in hrane. Tekmovalen dostop do virov je bil osrednji poudarek nove študije Marine A.G. von Keyserlingk, doktorice z Univerze British Columbia v Vancouverju, Kanada, in njenega raziskovalnega tima. V tej prvi tovrstni študiji tekmovalnosti za to starostno skupino se je ekipa osredotočila na to,

kako bi lahko parna reja še posebej vplivala na socialne tekmovalne sposobnosti mlečnih telet pred odstavitvijo. [Celoten članek si lahko preberete na spletni strani ADSA.](#)



Konference in delavnice

EAAP vas poziva, da preverite veljavnost datumov za vsak dogodek, objavljen spodaj in v koledarju na spletni strani, zaradi stanja sanitarnih izrednih razmer, s katerimi se trenutno sooča svet.

Dogodek	Datum	Lokacija	Informacije
BSAS Belfast 2024	4. - 11. april 2024	Belfast, Severna Irska	Spletna stran
2. regionalno srečanje EAAP	24. - 26. april 2024	Nikozija, Ciper	Spletna stran
46. konferenca Discover	4. - 6. maj 2024	Itasca, Illinois, ZDA	Spletna stran
3. srečanje o gorskih živinorejskih sistemih	5. - 7. junij 2024	Florida, ZDA	Spletna stran
Letno srečanje ADSA 2024	16. - 19. junij 2024	Florida, ZDA	Spletna stran
Skupni kongres AAAP in AAAS o živinoreji	8. - 12. julij 2024	Melbourne, Avstralija	Spletna stran
2024 ASAS Letno srečanje ASAS/CSAS/WSASAS	21. - 25. julij 2024	Calgary, Kanada	Spletna stran
Mednarodni simpozij o fiziologiji prežvekovalcev (ISRP)	26. - 29. avgust 2024	Chicago, Illinois, ZDA	Spletna stran
75. letno srečanje EAAP	1. - 5. september 2024	Firence, Italija	Spletna stran

13. svetovni kongres o zajcih

2. - 4. oktober 2024

Tarragona, Španija

[Spletna stran](#)

Več konferenc in delavnic [je na voljo na spletni strani EAAP](#).



"Presenetljivo je, da ljudje ne verjamejo, da v znanosti obstaja domišljija. Gre za zelo zanimivo vrsto domišljije, ki se razlikuje od domišljije umetnika. Največja težava je, da si poskušate zamisliti nekaj, česar še niste videli, kar je v vseh podrobnostih skladno z že videnim in se razlikuje od tistega, o čemer ste že razmišljali; poleg tega mora biti to nekaj določenega in ne nejasna predpostavka. To je resnično težko."

(Richard P. Feynman)

Postati član EAAP je enostavno!

Postanite individualni član EAAP in prejemanje glasilo EAAP ter odkrijte številne druge ugodnosti! Ne pozabite, da je individualno članstvo za prebivalce držav EAAP brezplačno.

[Za več informacij in registracijo kliknite tukaj!](#)

Priložnosti za oglaševanje vašega podjetja v glasilu EAAP v letu 2024!

Angleška različica glasila trenutno doseže skoraj 6 000 znanstvenikov s področja živalstva, pri čemer se lahko pohvali s povprečnim številom certificiranih bralcev, ki se giblje med 2 200 in 2 500 na številko. Združenje EAAP daje panogam odlično priložnost za povečanje prepoznavnosti in ustvarjanje širše mreže!

Več o posebnih priložnostih si preberite tukaj.

Ta dokument je slovenski prevod "Flash e-News", izvirnega glasila EAAP. Prevod je, v skladu s cilji statuta EAAP, namenjen izključno informativnim namenom. Ne nadomešča uradnega dokumenta: izvirna različica glasila EAAP je edina dokončna in uradna različica, za katero je odgovorna EAAP - Evropska zveza znanosti o živali (ang. European Federation of Animal Science).

To zanimivo obvestilo o dejavnostih evropske skupnosti za znanost o živalih poroča o vodilnih raziskovalnih ustanovah v Evropi in obvešča o razvoju v industrijskem sektorju, povezanem z znanostjo o živalih in proizvodnjo. Slovenske "Flash e-News" so poslani nacionalnim predstavnikom ved znanosti o živalih in živilnorske industrije. Vsi ste vabljeni, da prispevate informacije za objavo v glasilu. Novice, besedila, fotografije in logotipe za objavo pošljite na: martin.simon@bf.uni-lj.si

Prevod in oblikovanje: Martin Šimon

Popravek naslova: Da boste še naprej prejeli glasilo nas obvestite o spremembi vašega e-poštnega naslova. Če želite prejemanje glasila EAAP preusmeriti drugim osebam, jim predlagajte, da nas kontaktirajo na naslov: martin.simon@bf.uni-lj.si

Za več informacij obiščite našo spletno stran:

www.eaap.org



@EAAP



@EAAP



@EAAP



@EAAP

Izjava o omejitvi odgovornosti: za to publikacijo so odgovorni izključno avtorji. Evropska komisija in Izvajalska agencija za raziskave nista odgovorni za kakršno koli uporabo informacij, ki jih vsebuje.